

## چکیده

مقدمه و هدف: سودوموناس آئروژینوزا یک باکتری گرم منفی و یکی از مهمترین پاتوژن های فرصت طلب ایجاد کننده عفونت های بیمارستانی است که معمولاً به طور همزمان مقاومت چند دارویی کسب می کند. مقاومت این باکتری گرم منفی نسبت به آنتی بیوتیک های مختلف، به ویژه بتالاکتام و کرباپنم به شکلی روزافزون گزارش شده است. در این مطالعه با هدف تعیین الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی و فراوانی بتالاکتامازهای وسیع الطیف در ایزوله های بالینی سودوموناس آئروژینوزا انجام شد که فراوانی ژن های متالوبتالاکتاماز  $bla_{IMP}$  و  $bla_{VIM}$  در سویه های مختلف سودوموناس آئروژینوزا در شهر رشت مورد بررسی قرار گرفتند.

روش: در مجموع ۱۰۷ نمونه سودوموناس آئروژینوزا از آزمایشگاههای مختلف شهر رشت جمع آوری گردید و با استفاده از روش های بیوشیمیایی تعیین هویت شدند. از روش دیسک دیفیوژن برای تعیین مقاومت آنتی بیوتیکی سویه ها استفاده گردید. جهت شناسایی سویه های مولد MBL از روش دیسک دیفیوژن به عنوان غربالگری و از روش دیسک ترکیبی ایمپی پنم به تنهایی و در ترکیب با EDTA با عنوان روش تاییدی استفاده گردید. آزمون PCR این سویه ها با استفاده از پرایمرهای اختصاصی جهت بررسی ژن های  $bla_{IMP}$  و  $bla_{VIM}$  انجام شد.

یافته های پژوهش: در مجموع ۲۹ سویه به روش دیسک دیفیوژن به ایمپی پنم مقاوم بودند که با روش ترکیبی تمامی این سویه ها با عنوان تولید کننده MBL تشخیص داده شده اند. از این تعداد ۲۱ سویه با روش PCR، حاوی ژن  $bla_{VIM}$  بود و ۴ سویه دارای ژن  $bla_{IMP}$  بود.

بحث و نتیجه گیری: در این مطالعه  $bla_{VIM}$  ژن غالب در میان سویه های مقاوم به ایمپی پنم بود با توجه به اهمیت سویه های مولد متالوبتالاکتاماز در بیمارستانها شناسایی سریع و ردیابی این سویه ها می تواند گامی مهم و اساسی در درمان و کنترل عونت های ناشی از این سویه ها به شمار رود.

واژه های کلیدی: متالوبتالاکتاماز، سودوموناس آئروژینوزا، مقاومت آنتی بیوتیکی