

چکیده

اشریشیاکلی به عنوان پاتوژن فرصت طلب شایع در عفونت های بیمارستانی محسوب میشود . مصرف روزافزون آنتی بیوتیک های بتالاکتام سبب ایجاد مقاومت آنتی بیوتیکی در این باکتری شده است که این مقاومت معمولا در اثر تولید آنزیم های بتالاکتامازی است . تولید آنزیم بتالاکتاماز در باکتری ها به ویژه در اشریشیا کلی مشکلات فراوانی را در برای درمان بیماران ایجاد نموده است . این مطالعه به منظور تعیین الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی و شیوع ژن CTX اشریشیاکلی جدا شده از بیمارستان های آموزشی ، شهرستان رشت انجام گرفت.

در این مطالعه ابتدا ۱۵۰ نمونه ادراری از بخش های عفونی بیمارستان های رازی و حشمت رشت گردآوری شده، پس از کشت بر روی محیط EMB آگار در دمای ۳۷ درجه سانتی گراد به مدت ۲۴ ساعت و انجام تست های بیوشیمیایی برای تایید، از بین ۱۵۰ نمونه ۵۰ ایزوله اشریشیا کلی جدا سازی شد. برای شناسایی سویه های مولد بتالاکتاماز از روش دیسک ترکیبی استفاده شد . سپس حساسیت نسبت به آنتی بیوتیک ها با روش کربی بائر تعیین شد. بررسی حضور ژن بتالاکتامازی CTX با استفاده از روش PCR انجام گرفت.

از ۵۰ سویه مورد بررسی ۲۳ (۴۶ درصد) سویه مولد بتالاکتامازهای وسیع الطیف بوده، پس از طی پروسه PCR برای شناسایی ژن CTX مشخص گردید از ۲۳ سویه بتالاکتاماز وسیع الطیف مثبت ۲۱ ایزوله (۹۱ درصد) حاوی ژن مورد نظر بوده است.

نتایج حاصل از این مطالعه نشان م ی دهد که ژن CTX شیوع بالایی در بین ایزوله های اشریشیا کلی مولد بتالاکتامازهای وسیع الطیف (ESBL) دارد، که وجود این آنزیم در باکتری با مقاومت آنتی بیوتیکی رابطه مستقیمی دارد . امروزه این مسئله یکی از مشکلات بهداشتی جدی در سطح دنیاست که اقدامات لازم جهت جلوگیری از این مشکل الزامی است.

واژه های کلیدی: اشریشیا کلی، ESBL، مقاومت آنتی بیوتیکی، بتالاکتاماز