

بررسی فراوانی ژن های SIM و ampC در جدایه های بالینی سودوموناس آئروژینوزا در گیلان

شیرین فکری کهن^{*}, 12,

1397-11-9

مقدمه و هدف: سودوموناس آئروژینوزا یک باکتری گرم منفی و یکی از مهمترین پاتوزن های فرصت طلب ایجاد کننده عفونت های بیمارستانی است که معمولاً به طور همزمان مقاومت چند دارویی کسب می کند. هدف از این مطالعه تعیین الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی در جدایه های بالینی سودوموناس آئروژینوزا و فراوانی ژن های SIM bla و ampC bla در سویه های مقاوم بود. مواد و روش ها: در مجموع 95 جدایه سودوموناس آئروژینوزا از مراکز درمانی و آزمایشگاه های شهر رشت جمع آوری گردید و با استفاده از روش های بیوشیمیایی تعیین هویت شدند. از روش انتشار از دیسک برای تعیین مقاومت آنتی بیوتیکی سویه ها استفاده گردید و سویه های مولد بتالاکتاماز وسیع الطیف و متالو بتالاکتامازها با استفاده از روش دیسک ترکیبی شناسایی شدند. حضور ژن های bla SIM و bla میزان بیشترین مطالعه این در: ها یافته شد. بررسی PCR واکنش در مقاوم های سویه در ampC مقاومت جدایه ها به آنتی بیوتیک تری متوپریم سولفومتوکسازول بود و کلیستین موثرترین آنتی بیوتیک بوده است. از بین 95 جدایه سودوموناس آئروژینوزا 38 جدایه (17/36 درصد) مقاوم به ایمی پنم بودند. همچنین در تست فنوتیپی 29 جدایه (30 درصد) مولد کرباپنماز و 33 جدایه (7/34 درصد) مقاوم به سفنازیدیم و مولد بتالاکتاماز وسیع الطیف شناسایی شدند. در مجموع 44 نمونه مولد بتالاکتاماز و کرباپنماز شناسایی شدند که از این تعداد فراوانی ژن SIM در 12 نمونه (27/%) و فراوانی ژن ampC در 7 نمونه (9/15%) مثبت بود. بحث و نتیجه گیری: با توجه به شیوع بالای سویه های مولد بتالاکتاماز در جدایه های بالینی مورد مطالعه و اهمیت این سویه ها در بیمارستان ها، شناسایی سریع و ردیابی این سویه ها می تواند گامی مهم و اساسی در درمان و کنترل عونت های ناشی از این سویه ها به شمار رود.

کلمات کلیدی : سودوموناس آئروژینوزا، مقاومت آنتی بیوتیکی، SIM bla ، ampC bla

[Islamic Azad University, Rasht Branch - Thesis Database](#)

[دانشگاه آزاد اسلامی، واحد رشت - سامانه بانک اطلاعات پایان نامه ها](#)